

Αντώνιος Κομινάκης (Αν. Καθηγητής)
Εργαστήριο Γενικής & Ειδικής Ζωοτεχνίας
Τμήμα Επιστήμης Ζωικής Παραγωγής, Γεωπονικό Πανεπιστήμιο Αθηνών
Ιερά Οδός 75, 1855, Αθήνα
Τηλ. 210-5294403, e-mail: acom@aua.gr

Διδασκαλία

Γενετική Βελτίωση Αγροτικών Ζώων – προπτυχιακά και μεταπτυχιακά μαθήματα.

Ερευνητικά ενδιαφέροντα

- Εκτίμηση αποτελεσματικότητας προγραμμάτων επιλογής σε πληθυσμούς αγροτικών ζώων
- Πληθυσμιακή γενετική ανάλυση και εκτίμηση γενετικών παραμέτρων
- Ανάλυση συσχέτισης γονιδιωματικών δεικτών με ποσοτικές ιδιότητες και ασθένειες σε αγροτικά ζώα και στον άνθρωπο

Ερευνητικά προγράμματα (ΕΥ)

- ‘Γενωμική επιλογή σε γαλακτοπαραγωγά πρόβατα’. Δράση: "Συνεργασία 2011" (2013-2015). Υπουργείο Παιδείας, Έρευνας και Θρησκευμάτων. Επιστ. Υπεύθυνος (ΕΥ).
- ‘Αυτάρκης και ποιοτική παραγωγή εγχώριου βοείου κρέατος’. Δράση: ΠΑΒΕΤ 2013 (2014-2015). Υπουργείο Παιδείας, Έρευνας και Θρησκευμάτων. Επιστ. Υπεύθυνος.
- ‘Γονιδιωματική σάρωση και εντοπισμός γονιδίων που επηρεάζουν (ανα)παραγωγικές ιδιότητες σε κρεοπαραγωγικά ορνίθια (2016-2019). Φορέας: Aviagen Ltd. Επιστ. Υπεύθυνος.
- Innovation for Sustainable Sheep and Goat Production in Europe (iSAGE), (2017-2020). ΕΥ του Αγρ. Κτην. Συν. Δυτ. Ελλάδας (industry partner).
- SMALL RuminanTs breeding for Efficiency and Resilience (SMARTER) (2018-2022). ΕΥ του Αγρ. Κτην. Συν. Δυτ. Ελλάδας (industry partner).
- ‘Γονιδιωματική σάρωση, εντοπισμός και ανάλυση ρόλου γονιδίων σχετιζόμενων με το σωματικό βάρος στο είδος Gallus gallus’. (15/3/2018-31/12/2019). ΕΣΠΑ.

Επιστημονικός σύμβουλος

Αγροτικός Κτηνοτροφικός Συνεταιρισμός Δυτικής Ελλάδας (1999-2015, 2017-2022), Αγροτικός Συνεταιρισμός Παρακοίλων Λέσβου (1999-2014), Αγροτικός Συνεταιρισμός Πέτρας Λέσβου (2012-2015), Ένωση Μικρόσωμης Φυλής Αλόγων Σκύρου (2012-2014), Ένωση Μετακινούμενων Κτηνοτρόφων Ηπείρου (2018-2022), Ένωση Κτηνοτρόφων Προβάτου Φυλής Λέσβου (2018-2022), Αγροτικός Κτηνοτροφικός Συνεταιρισμός Σκαλοχωρίου Λέσβου (2018-2022).

Δημοσιεύσεις/Παρουσιάσεις (επιλεγμένες)

- Liandris E, Kominakis A, Andreadou M, Kapeoldassi K, Chadio S, Tsiligianni T, Gazouli M, Ikonomopoulos I, 2012. Associations between single nucleotide polymorphisms of GDF9 and BMP15 genes and litter size in two dairy sheep breeds of Greece. Small Rum. Res. 107(1): 16-21.

- Nezamidoust M, Kominakis A, Safari A, 2013. Use of Wood's model to analyze the effects of milking methods on lactation curve in sheep. *Small Rum. Res.* 113(1): 195-204.
- Maniatis G, Demiris N, Kranis A, Banos G, Kominakis A, 2013. Genetic analysis of sexual dimorphism of body weight in broilers. *J. Appl. Gen.* 54 (1): 61-70.
- Maniatis G, Demiris N, Kranis A, Banos G, Kominakis A, 2013. Model comparison and estimation of genetic parameters for body weight in commercial broilers. *Can. J. Anim. Sci.* 93(1): 67-77.
- Kassi E., Sule, E., Kominakis, E., Spilioti E., Moutsatsou, P., 2014. Lack of Association Between Estrogen Receptor-Alpha Single-Nucleotide Polymorphism (Codon 594 G-->A) and Postmenopausal Osteoporosis: A Pilot Study. *Hospital Chronicles*, 9(2): 1-4.
- Maniatis G, Demiris N, Kranis A, Banos G, Kominakis A, 2015. Comparison of inference methods of genetic parameters with an application to body weight in broilers. *Archives Animal Breeding*, 58: 277-286.
- Mastranestasis I, Kominakis A., Hager-Theodorides A, Ekateriniadou LV, Ligda, Ch, Theodorou, K. 2016. Associations between genetic polymorphisms and phenotypic traits in the Lesvos dairy sheep. *Small Rum. Res.* 144: 205–210
- Kassi E, Semaniakou A, Sertedaki A, Evangelopoulos ME, Kazazoglou T, Kominakis A, Sfagos C, Charmandari E, Chrousos GP, Moutsatsou P, 2016. Sequencing analysis of the human glucocorticoid receptor (NR3C1) gene in multiple sclerosis patients. *Journal of the Neurological Sciences* 363:165–169.
- Kominakis, A, Hager-Theodorides AL, Saridaki A, Antonakos G, Tsiamis, G, 2017. Genome-wide population structure and evolutionary history of the Frizarta dairy sheep. *Animal*. doi:10.1017/S1751731117000428.
- Kominakis A, Hager-Theodorides AL, Saridaki A, Zoidis E, Antonakos G, Tsiamis G, 2017. Combined GWAS and 'Guilt By Association' based prioritization analysis identified functional candidate genes for body size in sheep. *Genet Sel Evol.* 49(1):41 doi: 10.1186/s12711-017-0316-3.
- Kominakis A, Tarsani E, Maniatis G, Olori V, Kranis, A, 2018. Estimation of heritability of body weight in broilers using pedigree and dense genome-wide SNP data. 11th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production. Aotea Centre Auckland, New Zealand, 11–16 February 2018. Poster presentation.
- Tarsani E, Kranis A, Maniatis G, Kominakis A, 2018. Investigating the functional role of 1,012 candidate genes identified by a Genome Wide Association Study for body weight in broilers. 11th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production. Aotea Centre Auckland, New Zealand, 11–16 February 2018. Oral presentation.
- Tarsani E, Kominakis A, Theodorou G, Palamidi I, 2018. Exploiting extreme phenotypes to investigate haplotype structure and detect signatures of selection for body weight in broilers. XVth European Poultry Conference. Dubrovnik 17 - 21 September 2018.
- Kominakis A, Antonakos G., Saridaki A. 2019. Estimation of genomic breeding values for three milk traits in the Frizarta dairy sheep. Poster Presentation. EAAP meeting Ghent, 2019.
- Tarsani E, Kranis A, Maniatis G, Avendano S, Hager-Theodorides A, Kominakis, A. 2019. Fine-mapping additive and dominant SNP effects impacting on egg number in female broilers. XIth European Symposium on Poultry Genetics, Prague, October 2019.
- Tarsani E, Kranis A, Maniatis G, Avendano S, Hager-Theodorides A, Kominakis, 2019. Discovery and characterization of functional modules associated with body weight in broilers. *Scientific Reports*. Pub Date : 2019-06-24 , DOI: 10.1038/s41598-019-45520-5.
- Kominakis A., Saridaki A, Antonakos G, 2019. Novel candidate genes for somatic cell count in Frizarta dairy sheep. *International Journal of Genetics and Genomics*. Vol. 7, No. 4, 2019, pp. 103-109. doi: 10.11648/j.ijgg.2019070.
- Tarsani E, Theodorou G, Palamidi I, Kominakis, A. 2020. Identification of candidate genes for body weight in broilers using extreme phenotype GWAS. *Int. Journ. Gen. Genomics*. Vol. 8, No. 1, 2020, pp. 29-40. doi: 10.11648/j.ijgg.20200801.14.
- Tarsani, E, Kranis A, Maniatis, G, Avendano S, Hager-Theodorides A, Kominakis, A. 2020. Deciphering the mode of action and position of genetic variants impacting on egg number in broiler breeders. *BMC Genomics* (accepted).

- Kominakis A, Tarsani E, Hager A, Hadjigeorgiou I, 2020. Exploiting most informative markers to predict group membership of North Aegean sheep, EAAP 2020 Porto. Presentation (accepted).
- Kominakis A, Hager A, Tarsani E, Hadjigeorgiou I, 2020. A variant in intron 11 of *RXFP2* gene is associated with the polled phenotype in North Aegean sheep populations. EAAP 2020. Porto. Presentation (accepted).